9. PERSPECTIVAS

Para conocer una relación entre las enfermedades presentadas por el paciente y la relación con *H. pylori* se necesita una mayor cantidad de muestras para un buen análisis y una mayor variabilidad de enfermedades, ya que todos presentaron gastritis crónica.

Para resultados más confiables se podrían utilizar primers más específicos para los alelos s1a, s1b y s1c y otro sólo para el alelo s2 del gen *vacA*

Hacer estudios del gen *babA* para y ver si hay relación con los genes *vacA*, *cagA* e *iceA* y mostrar si tiene una relación con las enfermedades úlceras pépticas

Conocer específicamente de dónde se obtuvieron las biopsias gástricas para un mejor estudio, ya que es importante saber en qué parte del estómago o del duodeno la bacteria es más patógena.

Amplificar de nuevo el gen cagA con la secuencia de primers adecuada e investigar el posible polimorfismo que puede haber en estas cepas debido a la secuencia de primers incorrecta.